

PATRONES DE VARIACIÓN GENÉTICA EN CUATRO SUBESPECIES DE VENADO COLA BLANCA DEL NORESTE DE MÉXICO

Karla Logan-López¹, Eugenia Cienfuegos-Rivas¹, Ana Sifuentes-Rincón², Maurilio González-Paz², Fernando Clemente-Sánchez³, German Mendoza-Martínez³ y Luis Tarango-Arámula³

¹Universidad Autónoma de Tamaulipas. UAM Agronomía y Ciencias. División de Estudios de Postgrado e Investigación. CU Adolfo López Mateos. 87149. Ciudad Victoria, Tamaulipas.

²Laboratorio de Biotecnología Animal I. Centro de Biología Genómica-IPN. Boulevard del Maestro, Colonia Narciso Mendoza, Reynosa, Tamaulipas.

³Ganadería. Campus Montecillo. Colegio de Postgraduados. km 36.5 Carretera México-Texcoco, Montecillo, Estado de México.

RESUMEN

La introducción de *Odocoileus virginianus texanus* en áreas fuera de su distribución, ha causado el entrecruzamiento de subespecies que podría afectar el germoplasma nativo. Para manejar adecuadamente estas poblaciones se determinó la variabilidad genética entre *O. v. texanus*, *O. v. veraecrucis*, *O. v. carminis* y *O. v. miquihuanensis* en el noreste mexicano, utilizando la técnica Base Escision Sequence Scanning (BESS-T) para analizar la región mitocondrial (D-loop) en 106 muestras de ADN. Se encontraron 24 haplotipos: 17 en *O. v. texanus* (cuatro compartidos con las demás subespecies), tres haplotipos en *O. v. veraecrucis*, dos en *O. v. carminis* y dos en *O. v. miquihuanensis*. En *O. v. texanus* se evaluó la variabilidad inter- e intra-poblacional según su origen geográfico. Se concluye que la diversidad genética en el Estado de Tamaulipas fue mayor (0.89) que en los Estados de Coahuila (0.82) y Nuevo León (0.56).